



研究生导师简介

姓名：陈恒； 学位：博士； 职称：教授（特聘）、研究生导师

研究方向：生物医学大数据挖掘与分析及数据库信息服务平台的创新设计与应用

本科生课程：《大数据导论》及《大数据安全技术》；研究生课程：《生物信息学概论》与《文献检索与论文写作》。研究生招生与培养：统招致力于交叉学科研究的学生、与国内外名校教授联合培养。

地址：浙江省温州市茶山高教园区温州大学南校区 5 号楼 C 座 205 室

联系方式：手机：17816320874

Email: chenheng_dr@hotmail.com

学习经历	国家	院校	专业	学历/学位	起始时间	结束时间
	加拿大	University of Alberta (阿尔伯塔大学)	访问教授/信息管理	/	2013.9	2014.3
	加拿大	University of Alberta (阿尔伯塔大学)	生化及分子生物学	博士后	2005.9	2007.9
	中国	上海交通大学	生化及分子生物学	博士	1999.9	2004.11
	中国	南京大学	细胞物学	硕士	1992.9	1995.6
	中国	湖南师范大学	生物学	学士	1985.9	1989.6
	工作经历	国家	单位	职务	起始时间	结束时间
中国		温州大学	教授	2020.9	在岗	
中国		中科院上海生命科学研究院	数据库部主任/研究馆员/教授	2008.7	2020.9	
加拿大		University of Alberta	访问教授 (高级研究学者)	2013.9	2014.3	
中国		上海新生源医药研究有限公司	高级研究员	2007.11	2008.6	
中国		上海大学	讲师与副教授	1995.7	2005.9	

国内外学术期刊、学术行业组织任职经历及评审专家入库情况	组织机构、期刊或专家评审库名称	职务	任期	
	<i>Biomedical Statistics and Informatics</i>	编委	3年	
	<i>International Journal of Biochemistry Research & Review</i>	编委	3年	
	<i>Journal of Biochemistry and Molecular Biology Research</i>	编委	3年	
	第四届信息系统工程国际会议（4th ICISE2019）组委会程序委员会	主席	当届	
	第九届计算机科学与工程国际学术研讨会（9th WCSE2019）程序委员会及分会	主席	当届	
	全国专业标准化技术委员会（生物信息分会）	委员	5年	
	第三届信息系统工程国际会议（3rd ICISE2018）组委会	主席	当届	
	第八届计算机科学与工程国际学术研讨会（8th WCSE2018）程序委员会及分会	主席	当届	
	2018 计算和数据工程国际会议（ICDE 2018）程序委员会	主席	当届	
	第七届国际计算机科学与工程学术研讨会（7 th WCSE2017）程序委员会及分会	主席	当届	
	第六届国际计算机科学与工程学术研讨会（6 th WCSE2016）组委会技术委员会	委员	当届	
	科技部国家科技计划项目评审专家库	评审专家	2015年入库	
	上海市科委项目评审专家库	评审专家	2010年入库	
	上海市科委科技奖励评审专家库	评审专家	2016年入库	
	上海市教委学位论文评审专家库	评审专家	2015年入库	
	上海师范大学	兼职教授	3年	
	担任国际学术杂志审稿人（Reviewer）情况	杂志名称		被收录情况
		<i>FEBS Journal</i>		SCI 收录
<i>Journal of Experimental Nanoscience</i>		SCI 收录		
<i>Microscopy and Microanalysis</i>		SCI 收录		
<i>Scanning</i>		SCI 收录		
<i>Fish Physiology and Biochemistry</i>		SCI 收录		
<i>Journal of Microscopy</i>		SCI 收录		
<i>Library Hi Tech</i>		SSCI 收录		
入选国家及部委和地方人才计划情况	人才计划名称	入选年份	资助额度	
	中科院文献信息情报领域百人计划（已结题，经中科院组织的专家组验收评估为B等（良好）	2010	120万元	
	上海市浦江人才计划，已结题，并通过评估	2009	10万元	
	福建省泉州市桐江学者奖励计划特聘教授	2018	80万元	
	温州市瓯越英才海智计划创新人才	2022	30万元	

承担重要项目经历

序号	项目名称	立项编号	经费 (万元)	起止年月	项目性质 及来源	担任 角色
1	生物技术领域专利信息应用示范	2013BAH21B06	155	2013.6-2012.12.(已通过科技部组织的专家评估验收)	国家科技支撑计划/科技部	项目主持人
2	重大传染性疾病-艾滋病和病毒性肝炎知识挖掘型专题文献数据库的设计与构建	2010 年度中科院小百人人才计划择优支持项目	120	2011.1-2014.12(终期结题答辩评估为 B 等/良好)	人才计划项目(中科院专项领域百人计划)/中国科学院	项目主持人
3	中科院留学基金-管理、支撑人才项目(访问教授)	2013-2014 年度	10	2013.9-2014.3(已结题)	中国科学院留学基金项目	项目主持人
4	重大传染性疾病-乙型肝炎专题知识库的构建与信息挖掘整合技术的应用	09PJC001(2009 年度上海市浦江人才计划项目)	10	2009.9-2011.9(已结题)	人才计划项目/上海市人力资源与社会保障局	项目主持人
5	生物技术文献信息整合与知识挖掘创新型数据库的构建、改进、维护和更新	2008BAI64B01 子课题	24.32	2010.10-2012.10(已结题)	国家 863 计划/科技部	子课题负责人
6	CBA-中国生命科学文献数据库信息整合技术的研发与应用	08dz1501000	60	2008.12-2010.12(已结题验收)	数字出版科技研发专项/上海市科委及市新闻出版局	项目主持人

知识产权申请、授权与登记情况						
序号	专利或软件著作权名称	授权、申请及登记号	类别	发明人或设计人排序	授权、登记或申请时间	授权、登记或申请国别或组织
1	中文文献数据库的蛋白质知识挖掘和发现的方法、装置	授权号 ZL201110028066.8	发明专利	陈恒, 孙继林, 等	授权日 2014. 4. 9	中国国家知识产权局
2	一种基于病毒蛋白质本体的知识导航方法、装置	授权号 ZL201310391096.4	发明专利	陈恒, 张琄, 等	授权日 2018. 2. 23	中国国家知识产权局
3	甄别与消除假阳性结果的方法与系统	授权号 ZL201410412507.8	发明专利	陈恒, 陈成材等	授权日 2019. 2. 1	中国国家知识产权局
4	一种用于中文文献数据库蛋白质知识挖掘的计算机应用程序	登记号 2011SR023902	软件著作权	陈恒, 张永娟等	登记日 2011. 4. 27	中国国家版权局
5	一种用于文献知识数据库自动赋词标引的计算机应用程序	登记号 2014SR201961	软件著作权	陈恒、张永娟等	登记日 2014. 12. 19	中国国家版权局
6	基因序列相似性检索中一种基因序列与相关专利关联整合的应用程序 V1.0	登记号 2017SR236609	软件著作权	陈恒, 陈成材等	登记日 2017. 6. 6	中国国家版权局
7	HIV 蛋白本体与相关文	登记号 2019SR0107	软件著作权	陈恒, 张永娟等	登记日 2019. 1. 29	中国国家版权局

	献信息关联整合系统 V1.0	045				
8	一种基因序列与专利整合关联的方法与系统	申请号 20171103039 74.0	发明专利	陈恒, 张永娟等	申请日 2017.5.3	中国国家知识产权局
9	一种基于关联数据和病毒蛋白本体的知识导航方法及装置	申请号 2023104957 65.6	发明专利	陈恒, 张笑钦等	申请日 2023.4.28	中国国家知识产权局
10	一种基于多模态数据融合的古建筑三维重建方法	申请号 2023109762 87.0	发明专利	陈恒, 陈钊民等	申请日 2023.8.3	中国国家知识产权局
11	基于关联数据与病毒蛋白本体整合的知识导航软件 V1.0		软件著作权	陈恒, 陈涛等	申请日 2023.6.25	中国国家版权局

代表性论文成果

序号	论文题目	作者排序(通讯作者请标注*)	期刊、书籍或会议名称	年份、卷期及页码	影响因子	SCI 引用次数
1	DIM: Long-tailed Object Detection and Instance Segmentation via Dynamic Instance Memory	Zhao-Min Chen, Xin Jin, Xiaoqin Zhang*, Chaoqun Xia, Zhiyong Pan, Ruoxi Deng, Jie Hu, Heng Chen	Machine Learning: Science and Technology	In press, 2023	IF: 6.8 (Indexed by SCI)	
2	Research on Semantic Publishing Model Based on Knowledge Management Ecosystem	Yongjuan Zhang, Tao, Chen, Heng* Chen, Jianrong Yu, and Wei Liu	84th IFLA General conference and Assembly (84th IFLA 2018)	2018	Indexed by CPCI	

3	Fine Construction of HIV Protein Ontology	Liwen Zhang, <u>Chen Heng*</u> , Yongjuan Zhang , Tao Chen	<i>Proceedings of 3rd International conference on Information system engineering</i>	2018, pp82-86	Indexed by IEEE and EI	
4	Construction of Viral Hepatitis Bilingual Bibliographic Database with Protein Text Mining and Information Integration Functions	<u>Chen Heng*</u> , Zhang Yongjuan, Lin Chunhong, Zhang Liwen, Chen Tao	<i>Proceedings of IJCAI Workshop on Semantic Machine Learning (SML 2017)</i>	2017, Vol.1986, p.57-65	Indexed by EI	
5	Building semantic information search platform with extended sesame framework	Chen Tao, Zhang Yong Juan, Zhang Shen, Chen Cheng Cai and <u>Chen Heng*</u>	<i>Proceedings of the 8th International Conference on Semantic Systems, I-SEMANTICS 2012</i>	2012, pp.193-196	Indexed by EI and CPCI	
6	Characteristics of the Toxin Extracted from Liquid Culture of Colletotrichum capsici F. nicotianae	Zhang Guang-Min, Fang Bao-hai, <u>Chen Heng*</u> and Li Xue-ling	<i>Applied Biochemistry and Biotechnology</i>	2012,Vol.167 (1), 52-61	IF: 3.0 (Indexed by SCI and EI together)	1
7	Effect of glutaraldehyde fixation on bacterial cells revealed by atomic force microscopy	Bao You Liu, Guang Min Zhang, Xue ling Li and <u>Chen Heng*</u>	<i>Scanning</i>	2012,Vol.34 (1),6-11	IF: 1.750 (Indexed by SCI and EI together)	17
8	A new efficient semantic web platform based on the Solr, SREn and RDF	Zhang Yong Juan, Chen Tao, You Wen Juan, Yu Jian Rong, Sun Ji Lin and <u>Chen Heng*</u>	<i>Information Engineering (Book)</i>	2012,Vol.25, 1-7	Indexed by CIPCP	
	Mining and Information Integration Practice for Chinese	<u>Chen Heng*</u> , Jin Yi, Zhao Yan, Zhang Yongjuan, Chen Chengcai,	<i>Advances in Data Mining: Applications</i>	2013,Vol.7987	Indexed by EI	

9	Bibliographic Database of Life Sciences	Sun Jilin, Shen Zhang	<i>ns and Theoretica l Aspects (Book)</i>	, pp.1-10		
10	Integrating Active Learning with Supervision for Crowdsourcing Generalization	Shu, Z. Sheng, V.S., Zhang, Y., Wang, D., Zhang, J., & Chen Heng	<i>Proceedin gs of the 14th Internatio nal Conferenc e on Machine Learning and Applicatio ns (ICMLA)</i>	December 9-11, 2015, Miami, Florida, USA.	Indexed by CPCI and EI	
11	Magnetic screening of the potential targeted protein of Salvianolic Acid B using T7 phage display library	Shupeng Liu, Ye Sun , Chen Heng , Suxian Song and Yuhong Xu	<i>Applied Biochemist ry and Biotechnol ogy</i>	2010,Vol.162(4), 1206-1213,	IF: 3. 0 (Indexed by SCI and EI together)	6
12	Seasonal morphological and biochemical changes of Dahlgren cells implies a potential role of the caudal neurosecretory system (CNSS) in the reproduction cycle of teleostean fish	Chen Heng* and Murui	<i>Fish Physiology and Biochemistry</i>	2008, Vol. 34, 37-42	IF: 2. 9 (Indexed by SCI)	9
13	Expression, purification and reconstitution of the Na ⁺ /H ⁺ exchanger sod2 in <i>Saccharomyces cerevisiae</i>	Chen Heng and Fliegel Larry	<i>Molecular and Cellular Biochemist ry</i>	2008, Vol.319, 79-86	IF: 4. 3 (Indexed by SCI)	6
14	Comparative observation of the recombinant adeno-associated virus 2 (rAAV-2) using transmission electron microscopy (TEM) and atomic force microscopy (AFM)	Chen Heng 唯一作者	<i>Microscop y and Microanal ysis</i>	2007, Vol.13, 384-389	IF: 2. 8 (Indexed by SCI)	23
15	Atomic force microscopy (AFM) of recombinant	Chen Heng 唯一作者	<i>Scanning</i>	2007, Vol.29, 238-242	IF: 1. 750 (Indexed by SCI and EI)	6

	adeno-associated virus-2 (rAAV-2) prepared by centrifugation				together)	
16	Expression and purification of the recombinant HBcAg core particles derived from methyltrophic <i>Pichia pastoris</i> , and TEM and AFM of the core particles and their natural aggregates	Chen Heng 唯一作者	<i>Journal of Electron Microscopy</i>	2007, Vol.56, 235-242	IF: 1.633 (Indexed by SCI)	6
17	Expression of HBcAg mutant with long internal deletion in <i>Saccharomyces cerevisiae</i> and observation of its self-assembly particles by atomic force microscopy (AFM)	Chen Heng* , Liu Shupeng, Chen Li, Huang Jiehuan, Xiang Shaoming	<i>International Journal of Biological Macromolecules</i>	2005, Vol.37, No.5: 239-248	IF: 8.2 (Indexed by SCI)	5
18	Purification and characterization of the recombinant hepatitis B virus core antigen(HBcAg) produced in the yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> and comparative observation of its particles by TEM and AFM	Chen Heng* , Lv Junhong, Liang Wangqi, Huang Yahong, Zhang Weijie, Zhang Dabing	<i>Micron</i>	2004, Vol.35, No.5:311-318	IF: 2.4 (Indexed by SCI)	16

国际会议邀请口头报告

序号	会议名称	报告题目	时间	会议地点
1	The 9th International Workshop on Computer Science and Engineering(WCSE'2019)	Application of Linked Data in HBV Literature Database, HBV Protein Ontology and Knowledge Navigation	2019.6.15-17	Hong Kong China
2	The 4th International Conference on Information Systems Engineering (ICISE2019)	Application of Linked Data in HIV Literature Database and HIV Protein Ontology	2019.5.3-5	Shanghai China
3	The 8th International Workshop on Computer Science and Engineering (WCSE'2018)	Design and Application of the Information Service Platform for the English-Chinese Bilingual Stem Cell Biotechnology Patents	2018.6.28-30	Bangkok, Thailand
4	The 3rd International Conference on Information Systems Engineering (ICISE2018)	Fine Construction of HIV Protein Ontology and its preliminary application	2018.5.4-6	Shanghai, China

5	The 26th International Joint Conference on Artificial Intelligence (IJCAI 2017)	Construction of Viral Hepatitis Bilingual Bibliographic Database, Mining of Viral Hepatitis Related Protein Text and Integrating with Uniprot Protein Database	2017.8.19-2 5	Melbourne, Australia
6	The 7th International Workshop on Computer Science and Engineering (WCSE'2017)	Construction of the Protein Ontology of HBV and Its Application in Knowledge Clustering Navigation	2017.6.25-2 7	Peking, China
7	The 6th International Workshop on Computer Science and Engineering (WCSE'2016)	Construction of AIDS Bilingual Bibliographic Database, Mining of AIDS Related Protein Text and Integrating with Uniprot Protein Database	2016.6.17-2 0	Tokyo, Japan
8	The 13th Industrial Conference on Data Mining (ICDM'2013)	Mining and Information Integration Practice for Chinese Bibliographic Database of Life Sciences	2013.7.16-2 0	Newark, NJ, USA